

La plateforme Génomique de Toulouse vous propose une présentation technique autour des technologies iScan et HiSeq2000 (Illumina)

➤ iScan

Puce avec la technologie **INFINIUM**

Espèces : homme, souris, rat, maïs, chien, porc, mouton, poule, cheval,

Génotypage, Analyses d'expression, Epigénétique, Cytogénétique



➤ HiSeq2000

Séquençage petits fragments (200 Gb/run) : **séquençage de novo, re-séquençage, RNA seq, Small RNA, miRNA, Methylation, chIP-seq**



Pour plus d'informations, rendez-vous à la page :

www.illumina.com

Lundi 1^{er} mars 13h30

Salle de séminaire du pôle de Biotechnologies Végétales

Centre INRA de Toulouse Midi-Pyrénées

24 chemin de Borde Rouge 31320 Auzeville

Intervenant: Yann Legros (Illumina)

Merci de diffuser l'information

Contacts : genomique@toulouse.inra.fr